



# TEMARIO

## POSGRADO EN CIENCIAS BIOLÓGICAS

UNIVERSIDAD NACIONAL AUTÓNOMA DE MÉXICO  
PROGRAMA DE POSGRADO EN CIENCIAS BIOLÓGICAS

Denominación de la actividad académica (completa): **Morfometría geométrica en R, curso teórico/práctico**

<b>Clave:</b>	<b>Semestre:</b> 2025-1	<b>Campo de conocimiento:</b> Sistemática; Biología evolutiva; Ecología	<b>Número de Créditos:</b> <b>64</b>
---------------	----------------------------	---	---

<b>Carácter</b>	<b>Horas</b>		<b>Horas por semana</b>	<b>Horas por semestre</b>
	<b>Teóricas</b> 3	<b>Prácticas</b> 1	4	<b>64</b>

<b>Modalidad</b>	<b>Duración del curso</b>
	<b>Semestral</b>

**Seriación indicativa u obligatoria antecedente, si es el caso:** No aplica

**Seriación indicativa u obligatoria subseciente, si es el caso:** No aplica

**Objetivo general:**

Que el estudiante comprenda y use los fundamentos básicos de la morfometría geométrica, sus enfoques y métodos actuales. Que el alumno aprenda la importancia de un marco morfométrico robusto y valore la necesidad de unir este marco metodológico con el conocimiento filogenético y ecológico para poner a prueba hipótesis biológicas, evolutivas y sistemáticas.

El alumno aprenderá sobre las herramientas conceptuales y prácticas, así como los programas y paquetes existentes en el lenguaje estadístico R que permitirán el uso apropiado de esta técnica. Durante el curso el alumno, además de aprender la teoría, practicará cada paso del proceso y diseñará un sistema de landmarks para su grupo de estudio, además realizará un trabajo final analizando su grupo de estudio con morfometría geométrica.

**Objetivos específicos:**

- Aprender la teoría de la morfometría geométrica y sus aplicaciones en biología evolutiva y sistemática
- Aprender la teoría y práctica sobre landmarks y semilandmarks
- Aprender sobre recursos para obtener conjuntos de escaneos 3D de la web
- Desarrollar un sistema de landmarks para el grupo de estudio de cada alumno
- Aprender/Reafirmar el uso del software estadístico R
- Aprender la teoría detrás de los análisis en morfometría geométrica y sus enfoques actuales
- Aprender a realizar análisis básicos y avanzados en R
- Realizar un análisis morfométrico significativo en el grupo de estudio de cada alumno

<b>Temario</b>	<b>Horas</b>	
	<b>Teóricas</b>	<b>Prácticas</b>
<b>Unidad 1 Introducción a la Morfometría Geométrica</b> 1.1 Introducción al curso  1.2 Introducción a la morfometría geométrica 1.2.1 ¿Qué es la morfometría geométrica? 1.2.2 Desarrollo de la GM y contraste con la morfometría tradicional 1.2.3 Forma, tamaño y morfología de los entes biológicos.	<b>9</b>	<b>2</b>



# TEMARIO

## POSGRADO EN CIENCIAS BIOLÓGICAS

1.3 ¿Cómo obtener datos morfométricos? Adquisición de datos, digitalización, consideraciones metodológicas, equipos, landmarks, semilandmarks y software  1.4 Fotogrametría: obteniendo modelos 3D.  1.5 Segmentando CT-scans en 3D Slicer  1.5 Elección de tema final (basado en el grupo de estudio de cada alumno)		
<b>Unidad 2 Preparando las landmarks</b> 2.1 Diseñando un sistema de landmarks para el grupo de estudio del alumno, consideraciones metodológicas  2.2 Adquisición de landmarks en dos dimensiones en tpsDig2 2.2.1 Lectura de archivos de imagen 2.2.2 Obtención de propiedades 2.2.3 Asignación de tamaño 2.2.4 Exportación de datos  2.3 Adquisición de landmarks en 3D en SlicerMorph 2.3.1 ¿Cómo encontrar y descargar modelos morfológicos 3D de la web? 2.3.2 Definición de landmarks y semilandmarks (curvas) 2.3.3 Exportación de datos  2.4 Práctica de digitalización de landmarks y semilandmarks (2D y 3D).  2.5 Teoría de Procrustes 2.5.1 ¿Quién es Procrustes? 2.5.2 Translación. 2.5.3 Escalamiento y tamaño de centroide 2.5.4 Rotación 2.5.5 Superposición y comparación de dos formas 2.5.6 Métodos de superposición alternativos 2.5.6.1 Shape Coordinates (Bookstein), Ajuste Resistente (Resistant Fit), EDMA. 2.5.6.2 Ajuste y superposición de semilandmarks; distancia mínima cuadrada (minimum square distance) y energía de torsión (Bending Energy)  2.6 Exposición del sistema de landmarks de cada alumno	10	3
<b>Unidad 3 re-introducción a R</b> 3.1 El ambiente estadístico R 3.1.1 Ventajas del uso de R (software libre, basado en los usuarios( community based) y paquetes con matemática comprobada (peer-reviewed packages).  3.2 Objetos en R, asignar e indexar 3.2.1 Dataframes, arrays y listas 3.2.2 Paquetes de R (localización, descarga y carga)  3.3 Gráficas base de R 3.3.1 ggplot2 (Gráficas avanzadas)  3.4 Importación y exportación de archivos de landmarks en R 3.5 Práctica en R	5	3
<b>Unidad 4 Análisis morfométrico básico en R</b> 4.1 El paquete Geomorph 4.2 Superposición de constelaciones de landmarks usando Procrustes 4.3 Análisis de componentes principales (PCA)  4.4 Representación de diferencias en las formas	10	4



# TEMARIO

## POSGRADO EN CIENCIAS BIOLÓGICAS

4.4.1 Formas graficadas como wireframes 4.4.2 Thin plate splines y formas transformadas		
<b>4.5 Práctica de Geomorph</b>		
<b>Unidad 5 Análisis avanzados en R</b> 5.1 Regresión multivariada (generalized Least squares) 5.2 Mínimos cuadrados filogenéticos (Phylogenetic least squares) 5.3 Asimetría fluctuante y direccional 5.4 Correlación de tamaño y forma (alometría) 5.5 Mínimos cuadrados parciales en dos bloques (Two-Block partial least squares) 5.6 Modularidad e integración 5.7 Práctica de análisis avanzados usando el género <i>Anolis</i> 5.8 Reconstrucción filogenética con datos de morfometría geométrica	<b>10</b>	<b>4</b>
<b>Unidad 6 Presentación de trabajos finales</b>  <u>Programas que serán usados durante el curso</u> R (gratuito), R Project for Statistical Computing <ul style="list-style-type: none"><li>• R studio o</li><li>• Notepad++ (ambos gratuitos)</li></ul> 3D Slicer y SlicerMorph (gratuito). Zephyr3D (Gratuito) tpsDig2 (gratuito). TNT (gratuito) Cualquier tabulador que maneje archivos .csv <ul style="list-style-type: none"><li>• Microsoft Excel (de paga)</li><li>• libreoffice, google sheets, etc. (gratuitos).</li></ul>	<b>4</b>	<b>0</b>
<b>Total de horas teóricas</b>	<b>40</b>	
<b>Total de horas prácticas</b>	<b>16</b>	
<b>Suma total de horas</b>	<b>64</b>	
<b>Bibliografía básica</b>		
Adams, D. C. 2014. A method for assessing phylogenetic least squares models for shape and other high-dimensional multivariate data. <i>Evolution</i> (N. Y). 68:2675–2688.		
Adams, D. C. 2016. Evaluating modularity in morphometric data: Challenges with the RV coefficient and a new test measure. <i>Methods Ecol. Evol.</i> 7:565–572.		
Adams, D. C., and M. L. Collyer. 2018. Multivariate Phylogenetic Comparative Methods: Evaluations, Comparisons, and Recommendations. <i>Syst. Biol.</i> 67:14–31.		
Adams, D. C., and M. L. Collyer. 2016. On the comparison of the strength of morphological integration across morphometric datasets. <i>Evolution</i> (N. Y). 70:2623–2631.		
Adams, D. C., and E. Otárola-Castillo. 2013. Geomorph: an R Package for the Collection and Analysis of Geometric Morphometric Shape Data. <i>Methods Ecol. Evol.</i> 4:393–399.		
Adams, D. C., F. J. Rohlf, and D. E. Slice. 2013. A field comes of age: Geometric morphometrics in the 21st century. <i>Hystrix</i> 24:7–14.		
Bookstein, F. L. 2015. Integration, Disintegration, and Self-Similarity: Characterizing the Scales of Shape Variation in Landmark Data. <i>Evol. Biol.</i> 42:395–426. Springer US.		
Bookstein, F. L. 1997. Landmark methods for forms without landmarks: morphometrics of group difference in outline shape. <i>Med. Image Anal.</i> 1:225–243.		
Bookstein, F. L. 1991. Morphometric tools for landmark data: geometry and biology. Cambridge University Press.		



# TEMARIO

## POSGRADO EN CIENCIAS BIOLÓGICAS

- Collyer, M. L., D. J. Sekora, and D. C. Adams. 2015. A method for analysis of phenotypic change for phenotypes described by high-dimensional data. *Heredity (Edinb)*. 115:357–365. Nature Publishing Group.
- Denton, J. S. S., and D. C. Adams. 2015. A new phylogenetic test for comparing multiple high-dimensional evolutionary rates suggests interplay of evolutionary rates and modularity in lanternfishes (Myctophiformes; Myctophidae). *Evolution (N. Y.)*. 69:2425–2440.
- Dobzhansky, T. 1956. What is an adaptive trait? *Am. Nat.* 90:337–347.
- Drake, A. G. 2011. Dispelling dog dogma: An investigation of heterochrony in dogs using 3D geometric morphometric analysis of skull shape. *Evol. Dev.* 13:204–213.
- Drake, A. G., and C. P. Klingenberg. 2010. Large-scale diversification of skull shape in domestic dogs: disparity and modularity. *Am. Nat.* 175:289–301.
- Drake, A. G., and C. P. Klingenberg. 2008. The pace of morphological change: historical transformation of skull shape in St Bernard dogs. *Proc. R. Soc. B Biol. Sci.* 275:71–76.
- Felice, R. N., and A. Goswami. 2017. Developmental origins of mosaic evolution in the avian cranium. *Proc. Natl. Acad. Sci.* 201716437.
- Felsenstein, J. 1985. Phylogenies and the comparative method. *Am. Nat* 125:3–147.
- Goswami, A., and P. D. Polly. 2010. Methods for studying morphological integration and modularity. Pp. 213–243 in J. Alroy and G. Hunt, eds. *Quantitative methods in paleobiology*. Paleontological Society, Ithaca (NY).
- Gould, S. J. 1966. Allometry and Size in Ontogeny and Phylogeny. *Biol. Rev.* 41:587–638.
- Gould, S. J. 1971. Geometric Similarity in Allometric Growth: A Contribution to the Problem of Scaling in the Evolution of Size. *Am. Nat.* 105:113–136.
- Gower, J. C. 1975. Generalized procrustes analysis. *Psychometrika* 40:33–51.
- Grafen, A. 1989. The phylogenetic regression. *Philos. Trans. R. Soc. London*, 1683-94 326:119–157.
- Griffin, R. H. 2017. Missing 3D landmarks in objects with bilateral symmetry: reflecting points across a plane.
- Kendall, D. G. 1984. Shape manifolds, procrustean metrics, and complex projective spaces. *Bull. London Math. Soc.* 16:81–121.
- Klingenberg, C. P. 1998. Heterochrony and allometry: The analysis of evolutionary change in ontogeny. *Biol. Rev.* 73:79–123.
- Klingenberg, C. P. 2008. Morphological Integration and Developmental Modularity. *Annu. Rev. Ecol. Evol. Syst.* 39:115–132.
- Klingenberg, C. P. 2009. Morphometric integration and modularity in configurations of landmarks: Tools for evaluating *a priori* hypotheses. *Evol. Dev.* 11:405–421.
- Klingenberg, C. P. 2016. Size, shape, and form: concepts of allometry in geometric morphometrics. *Dev. Genes Evol.* 226:113–137. Development Genes and Evolution.
- Klingenberg, C. P. 2014. Studying morphological integration and modularity at multiple levels: concepts and analysis. *Philos. Trans. R. Soc. B Biol. Sci.* 369:20130249–20130249.
- Klingenberg, C. P., and J. Marugán-Lobón. 2013. Evolutionary covariation in geometric morphometric data: Analyzing integration, modularity, and allometry in a phylogenetic context. *Syst. Biol.* 62:591–610.



## TEMARIO

## POSGRADO EN CIENCIAS BIOLÓGICAS

- MacLeod, N. 2007. PalaeoMath 101 Data Blocks and Partial Least Squares Analysis. *Palaeontol. Newslett.* 36–48.
- MacLeod, N. 2013. Palaeomath101: Semilandmarks and Surfaces. *Palaeontol. Newslett.* 83:37–52.
- Mayr, E. 1983. How to Carry Out the Adaptationist Program? *Am. Nat.* 121:324–334.
- McGhee, G. 2012. The Geometry of Evolution: Adaptive Landscapes and Theoretical Morphospaces. Cambridge University Press, Cambridge.
- Melo, D., G. Garcia, A. Hubbe, A. P. Assis, and G. Marroig. 2016. EvolQG - An R package for evolutionary quantitative genetics [version 3; referees: 1 approved, 2 approved with reservations]. *F1000Research* 2016, doi: 10.12688/f1000research.7082.1.
- Mitteroecker, P., P. Gunza, and F. L. Bookstein. 2005. Heterochrony and geometric morphometrics: a comparison of cranial growth in *Pan paniscus* versus *Pan troglodytes*. *Evol. Dev.* 7:244–258.
- Niklas, K. J. 1999. Evolutionary walks through a land plant morphospace. *J. Exp. Bot.* 50:39–52.
- Niklas, K. J. 1994. Morphological evolution through complex domains of fitness. *Proc. Natl. Acad. Sci.* 91:6772–6779.
- Olsen, A. M., and M. W. Westneat. 2015. StereoMorph: An R package for the collection of 3D landmarks and curves using a stereo camera set-up. *Methods Ecol. Evol.* 6:351–356.
- R Core Team. 2015. R: A language and environment for statistical computing. R Foundation for Statistical Computing, Vienna, Austria.
- Revell, L. J. 2009. Size-correction and principal components for interspecific comparative studies. *Evolution (N. Y.)*. 63:3258–3268.
- Rohlf, F. J., M. Corti, and R. Olmstead. 2000. Use of Two-Block Partial Least-Squares to Study Covariation in Shape. *Syst. Biol.* 49:740–753.
- Rohlf, F. J., and D. Slice. 1990. Extensions of the Procrustes Method for the Optimal Superimposition of Landmarks. *Syst. Zool.* 39:40–59.

**Bibliografía complementaria**

- Benson, R. B. J., E. Starmer-Jones, R. A. Close, and S. A. Walsh. 2017. Comparative analysis of vestibular ecomorphology in birds. *J. Anat.* 231:990–1018.
- Bright, J. A., J. Marugán-Lobón, S. N. Cobb, and E. J. Rayfield. 2016. The shapes of bird beaks are highly controlled by nondietary factors. *Proc. Natl. Acad. Sci.* 113:5352–5357.
- Dollion, A. Y., G. J. Measey, R. Cornette, L. Carne, K. A. Tolley, J. M. da Silva, R. Boistel, A. C. Fabre, and A. Herrel. 2017. Does diet drive the evolution of head shape and bite force in chameleons of the genus *Bradypodion*? *Funct. Ecol.* 31:671–684.
- Dumont, E. R., K. Samadévaram, I. Grosse, O. M. Warsi, B. Baird, and L. M. Dávalos. 2014. Selection for mechanical advantage underlies multiple cranial optima in new world leaf-nosed bats. *Evolution (N. Y.)*. 68:1436–1449.
- Foster, D. J., J. Podos, and a. P. Hendry. 2008. A geometric morphometric appraisal of beak shape in Darwin's finches. *J. Evol. Biol.* 21:263–275.
- MacLeod, N. PalaeoMath 101 **Toda la serie está disponible en** *Palaeontol. Newslett.*  
<https://www.palass.org/publications/newsletter/palaeomath-101>.
- Tanner, J. B., M. L. Zelditch, B. L. Lundrigan, and K. E. Holekamp. 2010. Ontogenetic change in skull morphology and mechanical advantage in the spotted hyena (*Crocuta crocuta*). *J. Morphol.* 271:353–365.



POSGRADO

CIENCIAS

# BIOLÓGICAS



# TEMARIO

## POSGRADO EN CIENCIAS BIOLÓGICAS

Tokita, M., W. Yano, H. F. James, and A. Abzhanov. 2016. Cranial shape evolution in adaptive radiations of birds: comparative morphometrics of Darwin's finches and Hawaiian honeycreepers. *Philos. Trans. R. Soc. B* 372:1–17.

Tseng, Z. J. 2013. Testing Adaptive Hypotheses of Convergence with Functional Landscapes: A Case Study of Bone-Cracking Hypercarnivores. *PLoS One* 8:e65305.

**Sugerencias didácticas:**

- Exposición oral
- Exposición audiovisual
- Ejercicios dentro de clase
- Ejercicios fuera del aula
- Seminarios
- Lecturas obligatorias
- Trabajos de investigación
- Prácticas de taller o laboratorio
- Prácticas de campo
- Otro: Prácticas digitales en R y otros programas

**Mecanismos de evaluación del aprendizaje de los alumnos:**

- Exámenes parciales
- Examen final escrito
- Tareas y trabajos fuera del aula
- Exposición de seminarios por los alumnos
- Participación en clase
- Asistencia
- Seminario
- Otro: Trabajo final analizando el grupo de estudio de cada alumno

**Línea de investigación:****Sistemática y Biología evolutiva****Perfil profesionográfico****Doctorado con formación y experiencia en investigación en morfometría geométrica, macroevolución y método****comparativo. Amplia experiencia en asesoramiento de alumnos en temas de Morfometría geométrica.****Experiencia de al menos cuatro años enseñando morfometría geométrica y programación.**